

► Sikun服务器

Sikun Station LX

机箱：微塔式工作站
处理器：核心≥8,线程≥16
内存：128G
系统盘：>480G
软件盘：4TB

数据盘：16TB
显卡：集成核芯显卡
显示器：液晶显示器
键鼠：标准USB商用键盘鼠标套装



Sikun Station MX

机箱：中塔式工作站
处理器：核心≥12,线程≥48
内存：256 GB
系统盘：480G
软件盘：4TB

数据盘：32TB
显卡：独立显卡
显示器：液晶显示器
键鼠：标准USB商用键盘鼠标套装



Sikun Station HX

机箱：全塔式工作站
处理器：核心≥48,线程≥96
内存：512G内存
系统盘：480G
软件盘：8TB

数据盘：64TB
显卡：独立显卡
显示器：液晶显示器
键鼠：标准USB商用键盘鼠标套装



思昆生物公众号



思昆生物官网

郑州思昆生物工程有限公司
Sikun Life Science Co.,Ltd.

地址：河南自贸试验区郑州片区（经开）第十五大街199号12栋8层
邮编：450016
电子邮箱：service@sikun.com
服务电话：0371-6200 1500
网址：www.sikun.com

2026.04.13

* 禁忌内容或注意事项详见说明书
* 内部资料，仅供研讨交流
* 具体产品规格及参数以产品说明书为准
* 具体产品外观以实物为准



全自动分析系统

Automated process Analysis system

*仅供科研使用

SK-APAS

全自动分析系统

Automated process Analysis system

产品简介

思昆生物全自动分析系统是思昆生物自主研发的一款测序数据管理与分析平台，涵盖微生物鉴定、遗传分析及生信通用工具等多元功能，为用户提供多样化的分析选择与灵活的应用适配。系统可搭载不同配置的Sikun服务器，满足用户多样化的分析需求。

该系统可搭载思昆系列测序仪，面向生命科学及医学大健康等应用领域，实现从下机数据到生信结果的一键式、图形化、多维度分析，支持分析报告自动化快速生成，并可根​​据用户需求进行个性化平台定制，提供快速、全面、安全、便捷的本地化数据解决方案。

序号	样本名称	项目	项目状态	测序仪	文库	文库大小	文库类型	文库插入片段	文库GC	文库插入片段	文库GC	文库插入片段	文库GC	文库插入片段	文库GC	文库插入片段	文库GC	文库插入片段	文库GC
1	SK-APAS-001	细菌	完成	HiSeq	PE	150	标准	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%
2	SK-APAS-002	病毒	完成	HiSeq	PE	150	标准	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%
3	SK-APAS-003	真菌	完成	HiSeq	PE	150	标准	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%
4	SK-APAS-004	植物	完成	HiSeq	PE	150	标准	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%
5	SK-APAS-005	动物	完成	HiSeq	PE	150	标准	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%	300	45%

01

功能多样

支持多维度数据分析、数据管理、结果监测等，模块化部署，灵活选择

02

平台开放

支持多种测序平台数据实时导入，兼容性强

03

全自动分析

测序下机数据的管理与处理，一键式完成病原数据分析

04

快速智能

支持智能投递与进度跟踪、数据库更新、报告定制等，简单便捷

05

物种丰富

数据库包含5W+物种信息，分析范围广泛

病原类

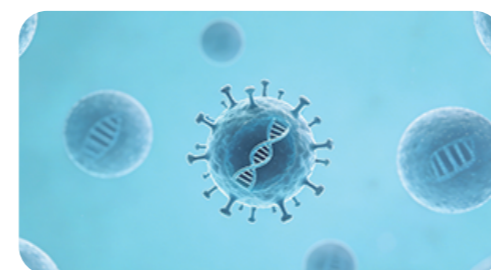
病毒组装和分型溯源模块



- 合胞病毒基因组分析系统
- 腺病毒全基因组分析系统
- 猴痘病毒基因组分析系统
- 流感全基因组分析系统
- 诺如病毒全基因组分析系统
- HIV基因组分析系统
- 登革热病毒基因组分析系统
- 肠道病毒基因组分析系统
- 新冠全基因组分析系统
- 污水新冠检测分析系统

细菌组装和血清型预测模块

- 致病菌及病毒基因组组装系统
- 单核细胞增生李斯特氏菌基因组分析系统
- 沙门氏菌血清型和耐药性预测系统
- 副溶血性弧菌基因组分析系统
- 大肠杆菌血清型和耐药性预测系统
- 肺炎克雷伯氏菌血清型和耐药性预测系统
- 志贺氏菌血清型和耐药性预测系统
- 细菌有参基因组分析系统
- 结核分枝杆菌耐药性预测系统



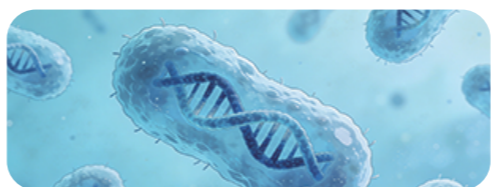
鉴定和耐药模块



- 未知细菌鉴定系统
- 广谱病原微生物耐药系统
- 未知真菌鉴定系统
- 未知病毒鉴定系统
- 广谱病原微生物鉴定系统

组装和注释

- 无参组装和评估系统
- 细菌三代和二代组装系统
- 细菌基因组分析系统
- 通用下机数据质控分析系统



微生物多样性分析模板



- 微生物多样性分析流程

遗传病类

WES/WGS



- 人类基因组数据遗传加速分析软件-TGAS-Align+call
- 人类基因组数据遗传变异检测软件-TAGS-Call
- 人类基因组数据比对软件-TGAS-Align

构建索引

- 人类基因组数据参考基因组索引软件TGAS-index+Dict



食源类

动物类模块



- 食源性动物成分检测分析系统

植物类模块



- 食源性植物成分检测分析系统

基础工具类

序列处理



- FASTA和FASTQ互转
- 序列合并和分割
- 序列大小写转换
- 序列筛选
- 换行符转换
- 进化分析
- 比对和变异索引构建

基础绘图

- 散点图
- 饼图
- 折线图
- 柱状图



高级绘图



- 染色体图
- Circos图
- 热图
- GO/Path图
- 小提琴图
- 进化树
- 多序列比对图